RAPORT KOŃCOWY z realizacji projektu w ramach Programu INNOWACJE SPOŁECZNE

część A

A.INFORMACJE O PROJEKCIE				
Numer umowy	IS-2/29/NCBR/2015		**Akronim projektu**	GeNN
Okres realizacji projektu	od	2015.09.01	do	**2018.02.28**
Tytuł projektu	GeNN – Genetyczna identyfikacja zwłok o nieustalonej tożsamości			
Słowa kluczowe	Poszukiwania osób zaginionych, identyfikacja zwłok NN, badania DNA, baza NN zwłok			

B. INFORMACJE O WYKONAWCY			
Status w projekcie	**Nazwa podmiotu**	**Nazwa skrócona**[1]	**Rodzaj podmiotu**[2]
Wykonawca / Lider konsorcjum	Fundacja Itaka Centrum Poszukiwań Osób Zaginionych	ITAKA	NGO
Współwykonawca 2	Centralne Laboraratorium Kryminalistyczne Policji	CLKP	JN
Współwykonawca 3	Esencja Stuadio SC	Esencja	PM
Współwykonawca ..			

C. KIEROWNIK PROJEKTU	
Imię i nazwisko, stopień/tytuł naukowy	Mgr Alicja Tomaszewska
Miejsce zatrudnienia	Fundacja Itaka
Nr telefonu, email	501-366-801, zarząd@zaginieni.pl

[1] *zgodnie z umową*
[2] *należy wybrać: JN, PM, PŚ, PD, IN (inne), NGO*

D. OPIS CELÓW ORAZ REZULTATÓW PROJEKTU

Nie więcej niż 3 strony formatu A4

Opis ze szczególnym uwzględnieniem:

1. *opisu założeń i celów projektu oraz ich weryfikacji w trakcie jego realizacji projektu (fazy badawczej i pilotażowej)*

Celem projektu było stworzenie narzędzi i procedur do usprawnienia poszukiwań, identyfikacja genetyczna NN zwłok ujawnionych w latach 1972-2003 oraz poprawa sytuacji rodzin, które od lat poszukują zaginionych bliskich.
Wynikiem projektu jest:
1. Rozszerzenie bazy danych DNA o 300 profili genetycznych rodzin osób zaginionych przed 2003 r.
2. Zidentyfikowanie NN zwłok na podstawie badań DNA.
3.Utworzenie w ITACE Bazy NN Zwłok, jedynego w Polsce narzędzia do identyfikacji zwłok NN.
4. Opracowanie analizy dotyczącej sytuacji prawnej w zakresie identyfikacji NN zwłok i postulatów zmian prawnych i organizacyjnych dla policji i prokuratury.
W fazie wdrożeniowej:
1. Baza NN Zwłok ITAKI została uzupełniona o informacje dotyczące aktualnie prowadzonych przez policję spraw identyfikacyjnych dotyczących NN zwłok. Jest ona jedynym w Polsce narzędziem umożliwiającym porównanie rysopisów ujawnionych zwłok NN i osób zaginionych.
2. Na podstawie przeprowadzonych badań genetycznych został opracowany sposób postępowania z archiwalnym materiałem genetycznym (stworzenie wytycznych pracy ze zdegradowanym biologicznym materiałem, opracowanie algorytmu postępowania w archiwalnych badaniach identyfikacyjnych). Doświadczenia i wnioski zdobyte podczas pracy laboratoryjnej zostaną wykorzystane w przyszłych prowadzonych archiwalnych badaniach identyfikacyjnych i zostały przedstawione na konferencjach.
3. Zostały przygotowane procedury postępowania dla policji dotyczące pobierania materiału biologicznego do badań genetycznych w celu identyfikacji zwłok o nieustalonej tożsamości.

W wyniku projektu powstała strategia komunikacyjno-wizerunkowa projektu, w tym strona internetowa projektu oraz materiały informacyjne opisujące założenia projektu.

2. *opisu rezultatów, osiągnięć i korzyści wynikających z realizacji projektu (fazy badawczej i pilotażowej)*

Przebadaliśmy możliwości identyfikacyjne NN zwłok ujawnionych przez policję w latach 1972- 2003 na podstawie analizy archiwalnych spraw poszukiwawczo-identyfikacyjnych. Sprawdziliśmy, jakie materiały i ślady zostały zabezpieczone do badań identyfikacyjnych oraz dokonaliśmy analizy porównawczej z profilami genetycznymi członków rodzin osób zaginionych przed 2003 r. Naszym celem było rozwiązanie spraw poszukiwawczych i ustalenie tożsamości zwłok ze spraw archiwalnych. Do tej pory materiał biologiczny ze spraw archiwalnych do badań genetycznych nie był pobierany od rodzin osób zaginionych. Zgromadzone podczas projektu profile rodzin będą przechowywane w nowoutworzonej policyjnej bazie DNA i będą wykorzystywane do dalszych badań identyfikacyjnych.
W ramach projektu została zbudowana dla ITAKI Baza NN Zwłok, narzędzie pozwalające na porównanie zwłok i osób zaginionych w celu identyfikacji. Do tej pory należało przejrzeć ok. 3500 zdjęć, aby zidentyfikować zwłoki. Nowa baza ograniczy tę liczbę do kilku zdjęć, gdyż będzie zawierać oprócz fotografii dokładny opis NN zwłok i przedmiotów znalezionych przy zwłokach.
Na podstawie działań realizowanych w projekcie została opracowana analiza dotycząca sytuacji prawnej w zakresie identyfikacji NN zwłok oraz postulaty zmian prawnych i organizacyjnych dla policji i prokuratury, prowadzących postępowania identyfikacyjne.

3. *opisu wpływu projektu na poprawę jakości życia grupy społecznej objętej projektem*

Prospołeczny wymiar realizacji założonych w projekcie celów szczegółowych odzwierciedla się w dokonanych identyfikacjach NN zwłok, umożliwiając jednocześnie zamknięcie niewyjaśnionych dotychczas spraw poszukiwawczo – identyfikacyjnych. W wyniku realizacji projektu udało się zrealizować zakładane cele jakim było

usprawnienie poszukiwań i poprawa sytuacji rodzin, które długotrwale poszukują zaginionych bliskich oraz doprowadzenie do zamknięcia niewyjaśnionych spraw poszukiwawczych i identyfikacja NN zwłok.
Wyjaśniona została sprawa zaginięcia mężczyzny z 2000 roku - Andrzeja G., który poszukiwany był od kilkunastu lat przez swoich rodziców. Nowelizacja zapisów Ustawy o Policji dokonana w 2015 roku (zmiana art. 15) umożliwiła pobieranie od rodzin osób zaginionych – za ich zgodą – wymazu ze śluzówki policzków w celu identyfikacji zwłok ludzkich o nieustalonej tożsamości. Ww. rodzice Andrzeja G. oddali swój materiał genetyczny, z którego oznaczono ich profile DNA, które zarejestrowano w Bazie Danych DNA. W wyniku przeszukania Bazy celem odnalezienia dopasowań typu rodzina – NN zwłoki, nastąpiło trafienie, w którym dopasowane zostały zwłoki mężczyzny odnalezione na torach kolejowych w 2000 roku z poszukującymi swojego syna rodzicami. To właśnie z próbek biologicznych pobranych z odzieży tragicznie zmarłego mężczyzny, które badane były w ramach realizacji projektu GeNN udało się oznaczyć profil DNA NN zwłok. W wyniku analizy statystycznej potwierdzone zostało pokrewieństwo w wyżej opisywanej sprawie.
Medialne oddziaływanie projektu GeNN na społeczną świadomość możliwości zastosowania zaawansowanych technologii badań genetycznych w rozwiązywaniu nawet bardzo starych archiwalnych spraw może wpływać na wzrost liczby rejestrowanych w Bazie Danych DNA profili rodzin. W wyniku właśnie takiego oddziaływania wyjaśniono sprawę zaginionego Piotra O. Dzięki profilom DNA jego rodziców, które zarejestrowano w Bazie w 2017 roku udało się dokonać identyfikacji genetycznej w oparciu o dopasowanie genetyczne potwierdzone analizą statystyczną pokrewieństwa z profilem DNA ekshumowanych w 2010 roku szczątków niezidentyfikowanych zwłok, które ujawniono 8 lat wcześniej na terenie leśnym.
Zastosowana w projekcie GeNN metodyka badawcza wykorzystująca bardzo zaawansowane technologie i sprzęt badawczy umożliwiła w wielu przypadkach oznaczenie profili DNA z bardzo starych zdegradowanych próbek pochodzących ze spraw archiwalnych. Opracowana metodyka badań może być wykorzystywana w przypadkach bardzo trudnych próbek, w których nastąpiła duża degradacja DNA.
Tak było w przypadku kolejnej wyjaśnionej w wyniku realizacji projektu GeNN sprawy. Badania genetyczne NN zwłok prowadzone przez inną jednostkę badawczą nie dały pozytywnego rezultatu w związku z zaawansowanym procesem rozkładu tkanek. W związku z tym sprawę zlecono do realizacji w ramach projektu GeNN, gdzie jako materiał badawczy przesłano do laboratorium wycinki odzieży niezidentyfikowanych zwłok ujawnionych w 2010 roku. W wyniku przeprowadzonych badań oznaczono profil DNA, który po zarejestrowaniu i przeszukaniu w Bazy Danych DNA dał wynik negatywny. Dopiero po zarejestrowaniu profilu DNA domniemanego bratanka badanych NN zwłok nastąpiło dopasowanie, które potwierdzone zostało analizą statystyczną pokrewieństwa.

Również po zakończeniu projektu wszystkie wprowadzone do Bazy Danych DNA profile NN zwłok, które zostały oznaczone w ramach realizacji projektu GeNN i do tej pory nie zostały zidentyfikowane, będą przechowywane w zbiorze danych DNA i cyklicznie przeszukiwane w celu identyfikacji (tj. porównywane z profilami rodzin poszukujących swoich krewnych), co daje ciągłą szansę na identyfikacje pozostałych NN zwłok na podstawie profili DNA oznaczonych w projekcie. W związku z tym zakłada się długofalowe przyszłościowe oddziaływanie wyników projektu GeNN na poprawę życia grupy społecznej objętej projektem. Do tej pory badania DNA materiału pochodzącego ze „starych" spraw poszukiwawczych, prowadzone przez policyjne laboratoria kryminalistyczne, nie były realizowane na tak szeroką skalę. Realizacja projektu GeNN umożliwiła takie działanie, dzięki czemu dokonano analizę możliwości identyfikacyjnych za pomocą badań genetycznych w przypadku archiwalnych spraw.

E. INFORMACJE O WYNIKACH UZYSKANYCH W POSZCZEGÓLNYCH ZADANIACH				
Nr i tytuł zadania[3]	1. Analiza archiwalna spraw poszukiwawczo-identyfikacyjnych w celu wytypowania niezidentyfikowanych zwłok do badań			
Data rozpoczęcia zadania	planowana	1.09.2015	rzeczywista	1.09.2015

[3] *tabelę należy wypełnić dla **wszystkich** zadań, jak również dla tych, których realizacja została przerwana.*

Data zakończenia zadania	planowana	1.09.2015	rzeczywista[3]	1.09.2015
Koszt zadania (PLN)	planowany	168 600	rzeczywisty[4]	168 600
Podmioty realizujące[5]	Itaka, Esencja			

Opis merytoryczny wykonanych prac i uzyskanych rezultatów w ramach zadania realizowanego w projekcie

Należy opisać wykonane w ramach projektu zadania oraz uzyskane w nich rezultaty:
- w przypadku zadania zakończonego i zaraportowanego w całości w poprzednich raportach okresowych - nie więcej niż 1 strona formatu A4 na każde zadanie,
- w przypadku zadań, które jeszcze nie zostały do końca zaraportowane w poprzednich raportach okresowych – nie więcej niż 2 strony formatu A4 na każde zadanie.

Zespól projektowy wykonał kwerendę archiwalnych spraw poszukiwawczo-identyfikacyjnych ujawnionych prze policję w latach 1972 – 2003 w Głównym Archiwum Komendy Głównej Policji oraz w archiwach jednostek terenowych Policji. Zwrócono się także pisemnie do Prokuratury Krajowej o przeprowadzenie podobnej kwerendy w zakładach medycyny sądowej i przekazanie zabezpieczonych przez prokuratury materiałów biologicznych do Centralnego Laboratorium Kryminalistycznego.

W wyniku tej kwerendy wytypowano i przeanalizowano 2285 archiwalnych spraw poszukiwawczo-identyfikacyjnych NN zwłok z ujawnionych przez policję przed 2003 r. W ramach podjętych działań sprawdzono, jakie materiały i ślady są zabezpieczone w materiałach spraw do badań identyfikacyjnych.

Do dalszych badań w ramach projektu z zasobów Głównego Archiwum Policji KGP wytypowano 308 spraw poszukiwawczo-identyfikacyjnych, które następnie przekazano do CLKP.

W przekazanych materiałach znajdowały się:
- próbki włosów – w 24 sprawach,
- próbki sznura wisielczego – w 2 sprawach,
- chusteczka do nosa – w 6 sprawach,
- chustka na głowę – w 1 sprawie,
- grzebień, obcinacz do paznokci, łańcuszek z krucyfiksem – w 1 sprawie,
- próbki tkanin – w 274 sprawach.

Sporządzony wykaz spraw przekazano do CLKP celem wytypowania przez pracowników Zakładu Biologii CLKP spraw do dalszych badań w ramach projektu lub po jego zakończeniu (po uzyskaniu finansowania na dalsze badania.

W ramach realizacji tego zadania stworzono koncepcję komunikacyjno-wizerunkową projektu w tym:
1. strategii wizerunkowej projektu, jako działania badawczego o wysokiej wartości społecznej;
2. kluczowych przekazów komunikacyjnych;
- identyfikacji wizualnej składającej się z logo, haseł, systemu kolorów i typografii do strony internetowej, działań Public Relations oraz materiałów informacyjnych projektu,
- materiałów informacyjnych w postaci infografiki oraz folderu, niezbędnych do celów informacyjnych na temat projektu, jego założeń i przebiegu,
- strony internetowej projektu, która pełniła funkcję informacyjną na temat projektu, jego założeń, przebiegu i celów. Link do strony www projektu: http://www.projektgenn.pl

Dodatkowo administrowano stroną www Projektu GeNN, w tym tworzono treści i ich aktualizację, spójnych z koncepcją wizerunkową i komunikacyjną projektu. Przykładem jest informacja prasowa, która ukazała się na stronie

[4] *na koniec okresu sprawozdawczego*
[5] *skrócona nazwa Wykonawcy/Współwykonawcy zgodnie z danymi zawartymi w części B raportu*

internetowej Rzecznika Praw Obywatelskich:
https://www.rpo.gov.pl/sites/default/files/V_Konferencja_ekspercka_ITAKA_Informacja%20_Prasowa.pdf

Osiągnięte rezultaty zadania	100%
Mierzalne efekty	1. Wytypowano 308 spraw poszukiwawczo-identyfikacyjnych, w których znajdowały się ślady biologiczne do badań 2. Utworzono stronę internetową projektu www.projekt.genn.pl
Kamienie milowe[6]	Kwerenda - zrealizowana, strategia wizerunkowa -zrealizowana

Opis i uzasadnienie ewentualnych rozbieżności
Jeżeli w okresie realizacji fazy badawczej nastąpiły odstępstwa od ustaleń rzeczowych/czasowych zawartych w umowie w ramach zadania, należy wskazać, jakie są to odstępstwa, podać przyczyny rozbieżności, wymienić podjęte lub planowane działania naprawcze.

Brak rozbieżności

Nr i tytuł zadania[7]	2. Identyfikacja genetyczna NN zwłok i rodzin poszukujących swoich bliskich			
Data rozpoczęcia zadania	planowana	1.09.2015	rzeczywista	1.09.2015
Data zakończenia zadania	planowana	28.02.2018	rzeczywista[3]	28.02.2018
Koszt zadania (PLN)	planowany	598 000	rzeczywisty[8]	581 397,73
Podmioty realizujące[9]	CLKP			

Opis merytoryczny wykonanych prac i uzyskanych rezultatów w ramach zadania realizowanego w projekcie
Należy opisać wykonane w ramach projektu zadania oraz uzyskane w nich rezultaty:
- w przypadku zadania zakończonego i zaraportowanego w całości w poprzednich raportach okresowych - nie więcej niż 1 strona formatu A4 na każde zadanie,
- w przypadku zadań, które jeszcze nie zostały do końca zaraportowane w poprzednich raportach okresowych – nie więcej niż 2 strony formatu A4 na każde zadanie.

W trakcie realizacji projektu przeprowadzono oględziny materiału biologicznego pochodzącego od NN zwłok z 308 teczek archiwalnych prowadzonych przez jednostki Policji w Polsce.
W wyniku przeprowadzonych oględzin do badań zakwalifikowano 165 teczek spraw poszukiwawczo – identyfikacyjnych pochodzących z lat: od 1959 r do 2004 r, z których łącznie wytypowano do badań 412 próbek uprawdopodobnionego materiału porównawczego (w głównej mierze w postaci próbek odzieży, rzeczy osobistych oraz próbek włosów).
Badania wytypowanego materiału biologicznego przeprowadzono zgodnie z regułami tworzenia biologicznych ekspertyz kryminalistycznych i spełniające wymogi metodologii badań naukowych, w oparciu o procedurę opracowaną w Zakładzie Biologii CLKP pt. „Kryminalistyczne badania DNA w multipleksowych systemach STR" akredytowaną przez Polskie Centrum Akredytacji. Izolację DNA przeprowadzono przy użyciu systemu separacji magnetycznej z zastosowaniem stacji roboczej AutoMateExpress firmy Applied Biosystems. Ilość wyizolowanego DNA określono przy pomocy zestawu odczynników Quantifiler Trio DNA Quantification Kit firmy Thermo Fisher Scientific. Otrzymane ekstrakty poddano amplifikacji z wykorzystaniem multipleksowej reakcji PCR przy użyciu komercyjnych zestawów odczynników o szerokim panelu markerów STR (Global Filer firmy Thermo Fisher Scientific i Power Plex Fusion6C firmy Promega) i aparatu GeneAmp PCR system 9700 firmy Applied Biosystems.
Analizę otrzymanych wyników przeprowadzono przy użyciu programu GeneMapper IDX 1.4. Oprócz standardowych metod oznaczania i analizy profili genetycznych opartych na genotypowaniu STR, w projekcie

[6] *uzupełnić, jeśli we wniosku były zdefiniowane kamienie milowe – w innym przypadku wpisać „nie dotyczy"*
[7] *tabelę należy wypełnić dla **wszystkich** zadań, jak również dla tych, których realizacja została przerwana.*
[8] *na koniec okresu sprawozdawczego*
[9] *skrócona nazwa Wykonawcy/Współwykonawcy zgodnie z danymi zawartymi w części B raportu*

przeprowadzono badania z zastosowaniem najnowszej technologii opartej na sekwencjonowaniu następnej generacji NGS, dzięki czemu uzyskano dodatkowe informacje w zakresie badanych markerów genetycznych STR, jak również STR'ów chromosomu X, Y oraz informacji związanej z polimorfizmem pojedynczych nukleotydów SNP. Dzięki temu możliwe było określenie w wytypowanych przypadkach również cech fenotypowych NN zwłok, takich jak kolor oczu i włosów a także pochodzenie biogeograficzne. Przeprowadzenie sekwencjonowania następnej generacji w odniesieniu do archiwalnych próbek stanowiących bardzo stary, zdegradowany materiału biologiczny było innowacją na skalę światową w tego typu badaniach. Do analizy wykorzystano zestaw FGx Forensic Genomics System firmy Illumina wraz z platformą do sekwencjonowania nowej generacji MiSeq przy użyciu oprogramowania do analizy danych Universal Analysis Software.
Identyfikacja genetyczna NN zwłok ze spraw archiwalnych została przeprowadzona za pomocą analizy porównawczej wyników badań DNA oznaczonego z archiwalnych próbek biologicznych z profilami rodzin zarejestrowanymi w Bazie Danych DNA. Łączna liczba przeszukań to 63 profile NN zwłok z 2233 profilami rodzin zorganizowanych w 1380 drzew genealogicznych.
Na podstawie przeprowadzonych badań genetycznych i przeszukań w Bazie Danych DNA udało się **rozwiązać trzy archiwalne sprawy poszukiwawczo – identyfikacyjne.**
Zarejestrowane w Bazie Danych DNA profile NN zwłok, które zostały oznaczone w ramach realizacji projektu GeNN będą przechowywane w zbiorze danych DNA i cyklicznie przeszukiwane w celu identyfikacji (tj. porównywane z profilami rodzin poszukujących swoich krewnych), również po zakończeniu projektu, co daje ciągłą szansę na identyfikacje pozostałych NN zwłok na podstawie profili DNA oznaczonych w projekcie.
Na podstawie doświadczeń i wniosków zdobytych w trakcie realizacji projektu podczas pracy laboratoryjnej ze starym, bardzo zdegradowanym materiałem biologicznym, opracowano wytyczne pracy z tego rodzaju materiałem, które mogą być wykorzystane w praktyce przy archiwalnych badaniach identyfikacyjnych.
Badania zostały przeprowadzone zgodnie z procedurą opracowaną w CLKP - „Kryminalistyczne badania DNA w multipleksowych systemach STR" akredytowaną przez Polskie Centrum Akredytacji. Izolacja DNA z archiwalnych próbek zabezpieczonych od NN zwłok została przeprowadzona przy użyciu systemu separacji magnetycznej z zastosowaniem stacji roboczej AutomateExpress firmy Applied Biolsystems. Ilość wyizolowanego DNA mierzono metodą Real Time PCR, przy pomocy aparatu 7500 Real Time PCR System firmy Applied Biosystems i zestawu odczynników Quantifiler Human DNA Quantification Kit firmy Life Technologies. Otrzymane ekstrakty poddane zostały amplifikacji z wykorzystaniem multipleksowej reakcji PCR przy użyciu komercyjnego zestawu odczynników o szerokim panelu markerów STR – GlobalFiler Human identification kit i aparatu GeneAmp PCR System 9700 firmy Applied Biosystems. Analizę otrzymanych wyników przeprowadzono przy użyciu programu GeneMapper ID – X 1.1. Wyselekcjonowane próbki biologiczne poddano sekwencjonowaniu przy zastosowaniu zestawu ForenSeq kit i platformy Illumina MiSeq FGx zgodniez zaleceniami producenta. Analizę otrzymanych wyników przeprowadzono przy użyciu ForenSeq Universal Analysis Software.

Są to jedne z nielicznie prowadzonych badań tak starego archiwalnego materiału zabezpieczonego w teczkach spraw identyfikacyjno – poszukiwawczych. Badania ww. opisanego materiału z zastosowaniem najnowocześniejszej w genetyce kryminalistycznej - technologii NGS – sekwencjonowania następnej generacji, są badaniami pionierskimi na świecie w odniesieniu do bardzo starych zdegradowanych próbek DNA.

Do tej pory badania DNA materiału pochodzącego ze „starych" spraw poszukiwawczych, prowadzone przez policyjne laboratoria kryminalistyczne, nie były realizowane na tak szeroką skalę. Realizacja projektu umożliwiła dokonanie analizy możliwości identyfikacyjnych za pomocą badań genetycznych w przypadku spraw archiwalnych.

W trakcie trwania projektu:

- Przeprowadzono oględziny materiału biologicznego pochodzącego od NN zwłok ze 308 teczek archiwalnych dostarczonych z Głównego Archiwum Komendy Głównej Policji,
- Przeprowadzono badania laboratoryjne w zakresie izolacji DNA z wytypowanego materiału archiwalnego

pobranego z teczek poszukiwawczo - identyfikacyjnych, określono ilość wyizolowanego DNA w badanych próbkach, przeprowadzono reakcję amplifikacji oraz elektroforezę, dokonano analizy wyników badań laboratoryjnych,

- Przeprowadzono badania laboratoryjne w zakresie zagęszczania uzyskanych izolatów DNA z biologicznego materiału archiwalnego pobranego z teczek oraz przeprowadzono proces optymalizacji objętości mieszaniny reakcyjnej w celu poprawy uzyskiwanych dotychczasowo profili DNA,
- Przeprowadzono doświadczenia dotyczące optymalizacji warunków reakcji PCR i opracowano protokół amplifikacji DNA archiwalnego materiału biologicznego,
- Zaprojektowano doświadczenia obejmujące porównanie zastosowania technologii CE (elektroforezy kapilarnej) z NGS (sekwencjonowaniem następnej generacji) w przypadku starych, zdegradowanych próbek biologicznych. Przeprowadzono badania laboratoryjne i dokonano analizy porównawczej wyników,
- Przeprowadzono optymalizację badań z zastosowaniem technologii NGS,
- Przygotowano zestawienie dotyczące wpływu badanego archiwalnego materiału biologicznego zabezpieczonego z NN zwłok oraz jego wieku na uzyskiwane wyniki badań genetycznych,
- Skonfigurowano ustawienia bazy danych DNA, w celu stworzenia skutecznego narzędzia służącego przeszukaniom rodzinnym z wykorzystaniem profili niskiej jakości.

Identyfikacja genetyczna NN zwłok ze spraw archiwalnych została przeprowadzona za pomocą analizy porównawczej wyników badań DNA oznaczonego z archiwalnych próbek biologicznych z profilami rodzin zarejestrowanymi w Bazie Danych DNA. Łączna liczba przeszukań to 63 profile NN zwłok z 2233 profilami rodzin zorganizowanych w 1380 drzew genealogicznych. Na podstawie przeprowadzonych badań genetycznych i przeszukań w Bazie Danych DNA udało się **rozwiązać trzy archiwalne sprawy poszukiwawczo – identyfikacyjne**. W wyniku przeszukań **udało się np. zidentyfikować zwłoki odnalezione w 2000 roku**.

Dla badanego przypadku przeprowadzono analizę statystyczną za pomocą programu Familias 3.2 obliczając dla badanego przypadku iloraz wiarygodności (LR), przy założeniu dwóch alternatywnych hipotez:

- hipotezy 1: że materiał biologiczny z teczki archiwalnej pochodzi od osoby spokrewnionej z wytypowaną osobą z Bazy Danych DNA

- hipotezy 2: że materiał biologiczny z teczki archiwalnej pochodzi od innej osoby z populacji, która nie jest spokrewniona z wytypowaną osobą z Bazy Danych DNA oraz podając współczynnik pokrewieństwa.

W badanym przypadku uzyskano ekstremalnie mocny dowód wspierający hipotezę o spokrewnieniu NN zwłok z badaną rodziną. Oznaczone w wyniku badań projektowych profile DNA wprowadzone do Bazy Danych DNA przeszukiwane są cyklicznie, co umożliwia wzrost ilości tzw. „trafień" w przeszukaniach bazy z zastosowaniem połączeń: profil DNA NN zwłok – profil DNA osoby spokrewnionej. Wzrost ten uzależniony jest również od ilości profili DNA rodzin, których liczba stale się zwiększa, umożliwiając „trafienie".

Zarejestrowane w Bazie Danych DNA profile NN zwłok, które zostały oznaczone w ramach realizacji projektu GeNN będą przechowywane w zbiorze danych DNA i cyklicznie przeszukiwane w celu identyfikacji (tj. porównywane z profilami rodzin poszukujących swoich krewnych), również po zakończeniu projektu, co daje ciągłą szansę na identyfikacje pozostałych NN zwłok na podstawie profili DNA oznaczonych w projekcie.
Na podstawie doświadczeń i wniosków zdobytych w trakcie realizacji projektu podczas pracy laboratoryjnej ze starym, bardzo zdegradowanym materiałem biologicznym, opracowano wytyczne pracy z tego rodzaju materiałem, które mogą być wykorzystane w praktyce przy archiwalnych badaniach identyfikacyjnych.

Osiągnięte rezultaty zadania	100%
Mierzalne efekty	Przeprowadzono badania 412 próbek biologicznych pochodzących z materiałów archiwalnych z wykorzystaniem technologii elektroforezy kapilarnej i 42 wytypowanych próbek przy zastosowaniu sekwencjonowania następnej generacji – NGS, pochodzących ze spraw poszukiwawczo – identyfikacyjnych. Oznaczone w wyniku badań profile DNA zarejestrowano w Bazie Danych DNA w celu cyklicznych przeszukań. W trakcie trwania projektu udało się dokonać trzech identyfikacji NN zwłok ze spraw archiwalnych. Przeszukania Bazy Danych DNA będą dokonywane również po zakończeniu trwania projektu, co umożliwia dalsze identyfikacje. Na podstawie zdobytych doświadczeń podczas pracy laboratoryjnej i przy analizie wyników badań opracowano wytyczne dotyczące badań biologicznego zdegradowanego materiału ze spraw archiwalnych. Liczba zidentyfikowanych zwłok ze spraw archiwalnych (trzy identyfikacje NN zwłok w trakcie trwania projektu i możliwość dalszych dopasowań NN zwłoki – Rodzina, związanych z cyklicznymi przeszukiwaniami Bazy Danych DNA również po zakończeniu projektu)
Kamienie milowe[10]	Uzyskane wyniki badań świadczą o bardzo wysokim stopniu zdegradowania DNA w badanych próbkach, wynikłych na skutek długiego okresu przechowywania próbek w warunkach temperatury pokojowej - najstarsza analizowana sprawa poszukiwawczo – identyfikacyjna dotyczyła odnalezienia niezidentyfikowanych zwłok w 1958 roku. Większość analizowanych spraw dotyczyła zwłok odnalezionych w latach 70 – tych i 80 – tych XX wieku. Możliwość uzyskania wyników badań w postaci pełnych profili DNA świadczyła o skuteczności zastosowanej metodyki badań i odczynników, które charakteryzowały się wysoką czułością. Dodatkowo wprowadzone modyfikacje procesów badawczych - zagęszczanie uzyskanych izolatów DNA oraz optymalizacja warunków reakcji PCR wpłynęły na zwiększenie ilości pozytywnych wyników badań genetycznych. W pierwszym etapie optymalizacji badań odparowywano izolat do ilości ok. 7,5 µl, a następnie zmniejszano objętość mieszaniny reakcyjnej do rekcji PCR dopasowując ją do objętości uzyskanej z odparowania oraz zwiększano ilość cykli. Dzięki zastosowaniu tych modyfikacji można było uzyskać jak największe stężenie DNA. W wyniku przeprowadzonych badań laboratoryjnych oznaczono profile DNA NN zwłok, które następnie wprowadzono do Bazy Danych DNA, celem jej przeszukania. Przeszukanie miało charakter przeszukania tzw. „przeszukania rodzinnego” polegającego na porównaniu oznaczonego profilu DNA NN zwłok z zarejestrowanymi w bazie profilami rodzin przy użyciu modelu „drzewek genealogicznych” . Przy identyfikacji zwłok na podstawie zabezpieczonych w starych archiwach próbek, wykorzystano oprócz tradycyjnie stosownej metody elektroforezy kapilarnej (CE), także innowacyjne metody badań z zastosowaniem najnowocześniejszej technologii – sekwencjonowania następnej generacji (NGS). Spośród analizowanego materiału archiwalnego wytypowano 12 próbek, które

[10] *uzupełnić, jeśli we wniosku były zdefiniowane kamienie milowe – w innym przypadku wpisać „nie dotyczy”*

	rokowały uzyskanie pozytywnych wyników (ocena na podstawie uzyskanych wcześniej profili DNA z zastosowaniem technologii CE). Technologia masowego równoległego sekwencjonowania umożliwia uzyskanie większej ilości informacji w porównaniu ze standardową metodą CE, zwiększając siłę dyskryminacji i bardziej efektywną analizę zdegradowanych próbek. Oprócz standardowych stosownych w kryminalistyce genetycznych markerów identyfikujących daną osobę nowa metoda umożliwia również określenie cech fenotypowych danej osoby tj. określenie wyglądu – koloru oczu i włosów oraz umożliwia określenie tzw. pochodzenia biogeograficznego. Dla celów badawczych udało się oznaczyć cechy fenotypowe – kolor oczu i włosów dla wybranych próbek archiwalnych. Dane te zostały potwierdzone - były zgodne z informacjami zawartymi w archiwalnych teczkach odnoszącymi się do rysopisów odnalezionych NN zwłok. Dzięki zastosowaniu metodyki badań opracowanej w CLKP a także w oparciu o zastosowanie najnowocześniejszej technologii sekwencjonowania następnej generacji – NGS, możliwe było oznaczenie profili DNA z archiwalnego zdegradowanego materiału biologicznego NN zwłok. Wprowadzenie oznaczonych profili DNA do Bazy Danych DNA umożliwiło dopasowanie NN zwłok do profili rodzin zarejestrowanych w Bazie Danych DNA **w przypadku trzech spraw poszukiwawczo – identyfikacyjnych.**

Opis i uzasadnienie ewentualnych rozbieżności

Jeżeli w okresie realizacji fazy badawczej nastąpiły odstępstwa od ustaleń rzeczowych/czasowych zawartych w umowie w ramach zadania, należy wskazać, jakie są to odstępstwa, podać przyczyny rozbieżności, wymienić podjęte lub planowane działania naprawcze.

Brak rozbieżności

Nr i tytuł zadania[11]	3. Typowanie rodzin osób zaginionych do pobrania próbek biologicznych w celu przeprowadzenia analizy DNA			
Data rozpoczęcia zadania	planowana	1.01.2016	rzeczywista	1.01.2016
Data zakończenia zadania	planowana	28.09.2018	rzeczywista[3]	28.09.2018
Koszt zadania (PLN)	planowany	124 000	rzeczywisty[12]	143 254,43
Podmioty realizujące[13]	Itaka, Esencja			

Opis merytoryczny wykonanych prac i uzyskanych rezultatów w ramach zadania realizowanego w projekcie

Należy opisać wykonane w ramach projektu zadania oraz uzyskane w nich rezultaty:
- w przypadku zadania zakończonego i zaraportowanego w całości w poprzednich raportach okresowych - nie więcej niż 1 strona formatu A4 na każde zadanie,
- w przypadku zadań, które jeszcze nie zostały do końca zaraportowane w poprzednich raportach okresowych – nie więcej niż 2 strony formatu A4 na każde zadanie.

Członkowie zespołu projektowego przeszukali Internetową Bazę Danych Osób Zaginionych i NN prowadzoną przez Fundację ITAKA w celu wytypowania rodzin osób zaginionych, których bliscy zaginęli przed 2003 rokiem. Członkowie zespołu wytypowali 312 spraw do projektu i skontaktowali się ze 237 rodzinami w celu uzyskania zgody na pobranie próbek biologicznych do badań DNA.

Tylko 10 rodzin nie zgodziło się na udział w projekcie: najczęściej byli to rodzice zaginionych dzieci i nastolatków. Swoją odmowę uzasadniali tym, że chcą wierzyć, że zaginiony nadal żyje. Efekty przedstawia poniższa tabela:

[11] *tabelę należy wypełnić dla **wszystkich** zadań, jak również dla tych, których realizacja została przerwana.*
[12] *na koniec okresu sprawozdawczego*
[13] *skrócona nazwa Wykonawcy/Współwykonawcy zgodnie z danymi zawartymi w części B raportu*

STATYSTYKA PROJEKTU GENN

Województwo	Wytypowano	Zgoda	Brak zgody
mazowieckie	41 osób	35 rodzin	
śląskie	39 osób	29 rodzin	4 rodziny
dolnośląskie	29 osób	22 rodzin	
kujawsko-pomorskie	16 osób	13 rodzin	
lubelskie	15 osób	12 rodzin	
lubuskie	8 osób	3 rodziny	
łódzkie	15 osób	10 rodzin	1 rodzina
małopolskie	14 osób	12 rodzin	
opolskie	6 osób	6 rodzin	
podkarpackie	11 osób	10 rodziny	1 rodzina
podlaskie	5 osób	5 rodzin	
pomorskie	26 osób	21 rodzin	2 rodziny
świętokrzyskie	14 rodzin	13 rodziny	
warmińsko-mazurskie	15 osób	15 rodzin	
wielkopolskie	33 osoby	31 rodzin	
zachodniopo-morskie	25 osób	15 rodzin	
Razem	312	237	10

W trakcie rozmów psychologowie informowali o procedurze pobrania konkretnych próbek. Procedura ta została wypracowana podczas trwania projektu i przewiduje m.in: że

1. Ślady biologiczne od rodzin zostały pobrane w jednostkach policji stopnia powiatowego (rejonowego);

2. Pakiety do badań biologicznych zapewniają jednostki policji;

3. Ślady od rodzin pobierane były niezależnie od statusu osoby zaginionej tj. także w momencie, gdy nastąpiło uznanie osoby za zmarłą lub nigdy nie zgłoszono zaginięcia, a obecnie zgłoszenie takie nie jest możliwe. Rodziny, których zgłoszenie zaginięcia nie zostało przyjęte formalnie na Policji, minęło więcej niż 5 lat od zaginięcia, mogą wzięły udział w projekcie. Takie osoby zgłaszają się do ITAKI i są wysyłane do jednostek policji, gdzie powstaje notatka niebędąca formalnym zgłoszeniem zaginięcia, ale umożliwiająca udział w projekcie.

Pisemna prośba o pobranie od 237 rodzin próbek biologicznych do badań została wysłana do wszystkich Komend Wojewódzkich Policji. Dodatkowo poinformowaliśmy, że policjantów, żeby można pobrać ślady od rodzin, które nie zgłosiły zaginięcia do Itaki.

W sumie pobrano próbki od 300 rodzin.

W ramach tego działania zespół projektowy Itaki objął wszystkie rodziny osób zaginionych, uczestników projektu pomocą psychologiczną, prawną i socjalną. Naszym zadaniem jest przygotowanie rodzin na potwierdzenie zgonu osoby zaginionej. Bliscy poszukujący zaginionych członków rodzin – mimo znacznego upływu czasu – nadal przeżywają traumę związaną z niepewnością co do losów zaginionego. Najlepiej z tą sytuacją radzi sobie rodzeństwo zaginionych (z poważnymi wyjątkami), a najgorzej – rodzice. Dlatego rozmowy o udziale w projekcie to długie kilkukrotne rozmowy wsparciowe z każdym uczestnikiem projektu. Natomiast prawnicy i pracownicy socjalni borykali się z wieloletnimi problemami finansowymi i prawnymi rodzin. Nasi beneficjenci najczęściej pytali o koszty ekshumacji, pogrzebu oraz o postępowanie spadkowe i uznanie zaginionego za zmarłego.
Zespół projektowy Esencji prowadził obsługę Public Relations projektu, w tym kontynuował Na stronie www.projektgenn.pl zamieszczono formularz kontaktowy będący narzędziem umożliwiającym rodzinom osób zaginionych zgłoszenie się do projektu. Jest on niezbędnym narzędziem do przeprowadzenia rejestracji uczestników.

Opracowano także ulotkę informacyjną o projekcie
http://www.projektgenn.pl/wpcontent/uploads/2015/09/Project-GeNN-broszura_new-z-logotypami-patron%C3%B3w-medialnych.pdf

Kolejnym działaniem była organizacja 2 konferencji, organizowanych przez Itakę w listopadzie 2015 roku i w listopadzie 2016 roku.

W 2015 roku na V Eksperckiej Konferencji „Poszukiwania osób zaginionych" trzej członkowie konsorcjum przedstawili założenia, planowane działania i efekty projektu GeNN oraz odpowiadali na pytania zgromadzonych, w tym przede wszystkim policjantów zajmujących się poszukiwaniem osób zaginionych i identyfikacją nieznanych zwłok oraz policjantów-kryminalistyków.

W 2016 roku VI Konferencja odbywała się pod hasłem „Nowe technologie w poszukiwaniu zaginionych". Projekt GeNN znakomicie wpisywał się w temat konferencji. Kom. M. Dębska, przedstawicielka CLKP przedstawiła prezentacja pt. „Zastosowanie nowoczesnych technologii badań genetycznych - sekwencjonowania następnej generacji w identyfikacji NN zwłok"

Osiągnięte rezultaty zadania	100%

Mierzalne efekty	1. Wytypowano 312 rodzin osób zaginionych do badań DNA, 2. Uzyskano zgodę na badania od 133 rodzin 3. W sumie pobrano ślady od 300 rodzin 4. Powstała strona internetowa www.projektgenn.pl 5. Zorganizowano 2 konferencje eksperckie, na których przedstawiano projekt 6. Powstała ulotka informacyjna o projekcie 7. Powstała procedura pobierania śladów biologicznych od rodzin osób zaginionych do projektu
Kamienie milowe[14]	Baza danych – przeszukana, typowanie rodzin – zakończone, pobieranie śladów biologicznych od rodzin - zakończone

Opis i uzasadnienie ewentualnych rozbieżności

Jeżeli w okresie realizacji fazy badawczej nastąpiły odstępstwa od ustaleń rzeczowych/czasowych zawartych w umowie w ramach zadania, należy wskazać, jakie są to odstępstwa, podać przyczyny rozbieżności, wymienić podjęte lub planowane działania naprawcze.

Brak rozbieżności

Nr i tytuł zadania[15]	4. Utworzenie prototypu bazy NN zwłok			
Data rozpoczęcia zadania	planowana	1.01.2016	rzeczywista	1.01.2016
Data zakończenia zadania	planowana	28.02.2018	rzeczywista[3]	28.02.2016
Koszt zadania (PLN)	planowany	84 100	rzeczywisty[16]	84 092,13
Podmioty realizujące[17]	Esencja			

Opis merytoryczny wykonanych prac i uzyskanych rezultatów w ramach zadania realizowanego w projekcie

Należy opisać wykonane w ramach projektu zadania oraz uzyskane w nich rezultaty:
- w przypadku zadania zakończonego i zaraportowanego w całości w poprzednich raportach okresowych - nie więcej niż 1 strona formatu A4 na każde zadanie,
- w przypadku zadań, które jeszcze nie zostały do końca zaraportowane w poprzednich raportach okresowych – nie więcej niż 2 strony formatu A4 na każde zadanie.

W wyniku realizacji projektu powstała nowa platforma do rejestracji i porównywania nn zwłok i osób zaginionych. Uzyskano gotowy prototypu Bazy NN Zwłok pozwalające na stworzenie z niego docelowej Bazy NN Zwłok oraz zarejestrowanie danych dotyczących NN i ich usystematyzowanie, w tym:
- budowa mechaniki korelacji danych osób Zaginionych do NN – wyszukiwarka z odpowiednimi kryteriami i filtrami porównywania danych
- wdrożenie aktualnych na okres sprawozdawczy danych NN
- udostępnienie interfejsu Bazy NN Zwłok do użytkowania w wersji CRUD (Create Read Update Delete) – Dodawaj/ Czytaj/Aktualizuj/Usuwaj
- budowa modułu oprogramowania odpowiedzialnego za przypisywanie dostępu do Bazy NN Zwłok zewnętrznym placówkom (np. Policja) oraz użytkownikom w ich obrębie.

Osiągnięte rezultaty zadania	100 %
Mierzalne efekty	1 prototyp bazy

[14] *uzupełnić, jeśli we wniosku były zdefiniowane kamienie milowe – w innym przypadku wpisać „nie dotyczy"*
[15] *tabelę należy wypełnić dla **wszystkich** zadań, jak również dla tych, których realizacja została przerwana.*
[16] *na koniec okresu sprawozdawczego*
[17] *skrócona nazwa Wykonawcy/Współwykonawcy zgodnie z danymi zawartymi w części B raportu*

Kamienie milowe[18]	Uzyskano gotowy prototypu Bazy NN Zwłok pozwalające na stworzenie z niego docelowej Bazy NN Zwłok oraz zarejestrowanie danych dotyczących NN i ich usystematyzowanie, w tym: - budowa mechaniki korelacji danych osób Zaginionych do NN – wyszukiwarka z odpowiednimi kryteriami i filtrami porównywania danych - wdrożenie aktualnych na okres sprawozdawczy danych NN - udostępnienie interfejsu Bazy NN Zwłok do użytkowania w wersji CRUD (Create Read Update Delete) – Dodawaj/ Czytaj/Aktualizuj/Usuwaj - budowa modułu oprogramowania odpowiedzialnego za przypisywanie dostępu do Bazy NN Zwłok zewnętrznym placówkom (np. Policja) oraz użytkownikom w ich obrębie.

Opis i uzasadnienie ewentualnych rozbieżności

Jeżeli w okresie realizacji fazy badawczej nastąpiły odstępstwa od ustaleń rzeczowych/czasowych zawartych w umowie w ramach zadania, należy wskazać, jakie są to odstępstwa, podać przyczyny rozbieżności, wymienić podjęte lub planowane działania naprawcze.

Brak rozbieżności

Nr i tytuł zadania[19]	5. Utworzenie i aktualizowanie bazy NN zwłok ujawnionych przez policję			
Data rozpoczęcia zadania	planowana	1.03.2017	rzeczywista	1.03.2017
Data zakończenia zadania	planowana	28.02.2017	rzeczywista[3]	28.02.2018
Koszt zadania (PLN)	planowany	107 425,00	rzeczywisty[20]	107 421,86
Podmioty realizujące[21]	Itaka, Esencja			

Opis merytoryczny wykonanych prac i uzyskanych rezultatów w ramach zadania realizowanego w projekcie

Należy opisać wykonane w ramach projektu zadania oraz uzyskane w nich rezultaty:
- w przypadku zadania zakończonego i zaraportowanego w całości w poprzednich raportach okresowych - nie więcej niż 1 strona formatu A4 na każde zadanie,
- w przypadku zadań, które jeszcze nie zostały do końca zaraportowane w poprzednich raportach okresowych – nie więcej niż 2 strony formatu A4 na każde zadanie.

Porozumienie Itaki o współpracy z Policją obejmuje poszukiwanie osób zaginionych oraz identyfikację nn zwłok i osób o nieustalonej tożsamości. Do Itaki zwracali się policjanci z prośbą o typowanie , policje zagraniczne i zagraniczne organizacje, zajmujące się poszukiwaniem zaginionych. Dotychczasowe narzędzie było bardzo niedoskonałe i czasochłonne. Brak danych opisowych nn zwłok i możliwość wyszukiwania po niewielu parametrach (płeć, kolor oczu) nie gwarantowało sukcesu.

Zalety nowego narzędzia (platformy do identyfikacji)

1. Automatyzacja identyfikacji – skrócenie czasu nad sprawą
2. Możliwość dopasowania (typowania) zaginionego do NN zwłok (obecnie tylko zwłok do zaginionego)
3. Praca na nieograniczonej ilości rekordów
4. Bieżące monitorowanie nowych spraw
5. Wzrost szansy na identyfikacje przed badaniami DNA (skrócenie czasu identyfikacji, tańsze rozwiązanie
6. Możliwość dodawania spraw bezpośrednio przez policjantów (zamiast tradycyjnego przesyłania pocztą,

[18] *uzupełnić, jeśli we wniosku były zdefiniowane kamienie milowe – w innym przypadku wpisać „nie dotyczy"*
[19] *tabelę należy wypełnić dla **wszystkich** zadań, jak również dla tych, których realizacja została przerwana.*
[20] *na koniec okresu sprawozdawczego*
[21] *skrócona nazwa Wykonawcy/Współwykonawcy zgodnie z danymi zawartymi w części B raportu*

faksem, email, skrócenie obiegu dokumentów, skrócenie czasu identyfikacji lub poszukiwań

Nową platformę przedstawiono członkom konsorcjum, a ponadto zorganizowano w listopadzie 2017 roku 2 spotkania w MSWiA i w KGP.

Na obu spotkaniach przedstawiono prezentację nowego narzędzia i przedstawiono zalety nowego rozwiązania. Do dyrektora KGP zwrócono się z prośbą o zarekomendowanie policjantom możliwości skutecznej identyfikacji. Jednocześnie zwrócono się z prośbą o zbadanie możliwości przekazywania Itace bardziej szczegółowych informacji o ujawnionych nn zwłokach i nn osobach. Obecnie sprawa jest rozpatrywana. Działania te będą kontynuowane w ramach bieżącej współpracy.

Ponadto zwrócono się pismem do jednostek Policji, proponując współpracę w identyfikacji NN zwłok. Obecnie są przydzielane kody dostępu do platformy.

Nowa platforma została tez przedstawiona policjantom 23 listopada 2017 r. na VII Ogólnopolskiej Konferencji Ekspercka Fundacji ITAKA pt. „Zaginięcia osób dorosłych i dzieci". Partnerem tegorocznej konferencji było Stowarzyszenie Ekspertów Bezpieczeństwa RP. Swoimi patronatami objęli ją Ministerstwo Spraw Wewnętrznych i Administracji, Komendy Głównej Policji i Rzecznika Praw Obywatelskich. Prezentację o nowych możliwościach identyfikacji wygłosił Aleksander Zabłocki.

Nowa platforma jest na bieżąco aktualizowana. Narzędzie będzie rozwijane.

Osiągnięte rezultaty zadania	100%
Mierzalne efekty	Konsultacje z członkami konsorcjum – 3 Konsultacje z MSW i Policją – 2 Przedstawienie Bazy NN zwłok na konferencji - 1
Kamienie milowe[22]	Wdrożenie oprogramowania mechaniki Wdrożenie interfejsu użytkownika

Opis i uzasadnienie ewentualnych rozbieżności
Jeżeli w okresie realizacji fazy badawczej nastąpiły odstępstwa od ustaleń rzeczowych/czasowych zawartych w umowie w ramach zadania, należy wskazać, jakie są to odstępstwa, podać przyczyny rozbieżności, wymienić podjęte lub planowane działania naprawcze.

Brak rozbieżności

Nr i tytuł zadania[23]	6. Opracowanie analizy dot. sytuacji prawnej w zakresie indentyfikacji NN zwłok i postulatów zmian prawnych i organizacyjnych			
Data rozpoczęcia zadania	planowana	1.10.2017	rzeczywista	1.10.2017
Data zakończenia zadania	planowana	28.02.2018	rzeczywista[3]	28.02.2018
Koszt zadania (PLN)	planowany	43 900	rzeczywisty[24]	43 900
Podmioty realizujące[25]	Itaka, Esencja			

Opis merytoryczny wykonanych prac i uzyskanych rezultatów w ramach zadania realizowanego w projekcie
Należy opisać wykonane w ramach projektu zadania oraz uzyskane w nich rezultaty:
- w przypadku zadania zakończonego i zaraportowanego w całości w poprzednich raportach okresowych - nie więcej niż 1 strona formatu A4 na każde zadanie,

[22] *uzupełnić, jeśli we wniosku były zdefiniowane kamienie milowe – w innym przypadku wpisać „nie dotyczy"*
[23] *tabelę należy wypełnić dla **wszystkich** zadań, jak również dla tych, których realizacja została przerwana.*
[24] *na koniec okresu sprawozdawczego*
[25] *skrócona nazwa Wykonawcy/Współwykonawcy zgodnie z danymi zawartymi w części B raportu*

- w przypadku zadań, które jeszcze nie zostały do końca zaraportowane w poprzednich raportach okresowych – nie więcej niż 2 strony formatu A4 na każde zadanie.

Polskie ustawodawstwo przez lata w zasadzie nie objęło swoim zasięgiem problematyki związanej z postępowaniem z NN zwłokami jak również z zagadnieniami dotyczącymi ewidencjonowania NN zwłok oraz ich identyfikowania. Wprowadzone regulacje, rozrzucone na przestrzeni kilku aktów prawnych m.in. ustawy o Policji czy też ustawy o cmentarzach i chowaniu zmarłych, wybiórczo sankcjonowały ledwie niektóre z zagadnień, tak, jakby ustawodawca nie dostrzegał, jak ogromne problemy może przynieść w przyszłości pozostawienie tak istotnej luki prawnej. Lata zaniedbań oraz brak jednoznacznych, systemowych regulacji prawnych, określających wprost kwestie związane z pobieraniem i porównywaniem materiału genetycznego spowodowały, że Polska stała się państwem o stosunkowo wysokim współczynniku NN zwłok, które nigdy nie zostały zidentyfikowane. Realizacja programu GENN miała m.in. na celu zwrócenie uwagi na ww. kwestie.

Odnosząc się do regulacji związanych z pobieraniem materiału genetycznego, zasadniczym sukcesem, w którym swój udział ma również Fundacja ITAKA – Centrum Poszukiwań Ludzi Zaginionych, jest zmiana ustawy z dnia 6 kwietnia 1990 r. o Policji (Dz. U. 2017, poz. 2067 z późn. zm.) polegająca na dodaniu w art. 15 ust. 1 pkt 3b w brzmieniu: *Policjanci wykonując czynności, o których mowa w art. 14, mają prawo pobierania odcisków linii papilarnych lub materiału biologicznego ze zwłok ludzkich o nieustalonej tożsamości*. Nie jest to co prawda unormowanie zawierające bezwzględną dyspozycję nakazującą każdorazowe pobieranie materiału genetycznego, ponieważ użycie zwrotu „mają prawo" stanowi o możliwości swobodnego wyboru, a wręcz fakultatywności w zakresie pobierania materiału genetycznego, należy jednak zauważyć, że obowiązek związany z pobraniem materiału został wyrażony wprost w Zarządzeniu Nr 124 Komendanta Głównego Policji z dnia 4 czerwca 2012 r. w sprawie prowadzenia przez Policję poszukiwania osoby zaginionej oraz postępowania w przypadku ujawnienia osoby o nieustalonej tożsamości lub znalezienia nieznanych zwłok oraz szczątków ludzkich. Zgodnie z § 31 ust. 1 pkt 3 Zarządzenia Nr 124 Komendanta Głównego Policji *na miejscu znalezienia NN zwłok należy (…) pobrać próbki biologiczne w celu przeprowadzenia analizy DNA.*

Tym samym, na poziomie Zarządzenia Komendanta Głównego Policji wprowadzony został obowiązek popierania próbek biologicznych do badania DNA w każdym wypadku ujawnienia NN zwłok. Dyskusyjną pozostaje kwestia dotycząca prawidłowości powyższego działania, a zatem czy akt prawa resortowego, jakim bez wątpienia jest Zarządzenie Komendanta Głównego Policji, może doprecyzować normę wyrażoną w akcie prawnym wyższego rzędu - ustawie jako akcie prawa powszechnie obowiązującego, jakim bez wątpienia jest ustawa o Policji. Powyższe zagadnienie ma raczej charakter teoretycznej, akademickiej dyskusji, natomiast z punktu widzenia dążenia do ujednolicenia zasad postępowania, zgodnie z wielokrotnie prezentowanym przez Fundację stanowiskiem, najwłaściwszym rozwiązaniem byłoby przyjęcie regulacji ustawowej, a więc dokonanie zmiany w ustawie o Policji, przewidującej wymóg obligatoryjnego pobierania materiału biologicznego w przypadku ujawnienia NN zwłok.

Dokonując dalszej egzegezy przepisów regulujących kwestie postępowania z NN zwłokami, nie sposób pominąć art. 21 a ustawy o Policji, statuującego obowiązek prowadzenia przez Komendanta Głównego Policji zbioru danych DNA – zbioru zawierającego informacje o wynikach analizy kwasu deoksyrybonukleinowego, w którym gromadzi się i przetwarza m.in. informacje dotyczące zwłok ludzkich o nieustalonej tożsamości. Wprowadzenie powyższego rozwiązania również było postulowane przez Fundację. W ramach zbioru DNA, w odniesieniu do NN zwłok, gromadzi się próbki biologiczne w postaci próbek z tkanek. Informacje o próbkach zawierających materiał pobrany z NN zwłok wprowadzane są do zbioru danych DNA w drodze zarządzenia właściwego miejscowo organu Policji. Próbki biologiczne i informacje dotyczące wyników analizy DNA są przechowywane w zbiorze danych DNA przez okres do 20 lat i wykorzystywane w celu m.in. identyfikacji osób zaginionych lub zwłok

ludzkich o nieustalonej tożsamości. Wprowadzenie zbioru danych DNA w odniesieniu do NN zwłok i wynikających stąd możliwości ich identyfikacji jest z pewnością pozytywnym rozwiązaniem, jednakże skuteczne jego funkcjonowanie uzależnione jest od zachowania konsekwencji w zakresie zasilania zbioru danymi dotyczącymi NN zwłok, a zatem w zasadzie sens skutecznego i efektywnego prowadzenia zbioru danych DNA sprowadza się do realizacji obowiązku każdorazowego pobierania próbki biologicznej z ujawnionych NN zwłok w celu przeprowadzenia badania DNA. Tym samym, po raz kolejny należy podkreślić, że samo pobranie materiału biologicznego z ujawnionych NN zwłok powinno być działaniem obligatoryjnym. Szczegółowe czynności związane z postępowaniem w zakresie realizacji badań DNA oraz prowadzenia bazy DNA zostały uregulowane w Zarządzeniu Nr 26 Komendanta Głównego Policji z dnia 10 lipca 2017 r. w sprawie wykonywania przez Policję zadań związanych z przetwarzaniem informacji o wynikach analizy kwasu deoksyrybonukleinowego (DNA) oraz prowadzeniem bazy danych DNA.

Tym samym, powyższa analiza prowadzi do konstatacji, że doszło do unormowania sposobu postępowania z NN zwłokami, zwłaszcza w zakresie wprowadzenia metod umożliwiających ich identyfikację. Oczywiście niektóre z przedstawionych powyżej rozwiązań wymagają pewnego doprecyzowania, jednakże ogólny kierunek zmian należy oceniać pozytywnie.

Odrębną kwestią pozostaje zagadnienie związane z brakiem narzędzi i środków pozwalających na pobranie próbek z NN zwłok, które zostały pochowane przed wprowadzeniem ww. mechanizmów. Należy bowiem zauważyć, że znaczna ilość cmentarzy (w tym największych nekropolii miejskich) posiada w swoich zasobach stosunkowo dużą ilość grobów, w których pochowane zostały NN zwłoki. Pobranie materiału ze wszystkich grobów stanowiłoby ogromne przedsięwzięcie przede wszystkim pod względem logistycznym i finansowym, jednak pozwoliłoby na uporządkowanie problemu NN zwłok, a w przypadku porównania pobranego z NN zwłok materiału z materiałem bliskich osób zaginionych, umożliwiłoby ustalenie tożsamości znacznej ilości osób i wyjaśnienie spraw wielu przypadków zaginięć.

W ramach rozważań dotyczących problematyki NN zwłok nie sposób pominąć kwestii funkcjonowania cmentarzy i ich organizacji, a przede wszystkim metodologii chowania i ewidencjonowania zwłok, co jak się okazuje ma ogromne znaczenie w procesie pobierania próbek z NN zwłok chowanych zarówno w grobach indywidualnych jak i zbiorowych. Na uwagę zasługuje brak jakiegokolwiek odniesienia ustawodawcy do pochówku NN zwłok na gruncie przepisów ustawy
z dnia 31 stycznia 1959 r. o cmentarzach i chowaniu zmarłych (Dz. U. 2017, poz. 912
z późn. zm.). Tym samym dochodzi do sytuacji, w których NN zwłoki często są chowane w zbiorowych mogiłach, gdzie dochodzi do ich całkowitego przemieszania, z kolei w indywidualnych grobach w trumnach chowane są po dwie osoby, często groby są błędnie oznaczane i ewidencjonowane. W konsekwencji pobranie materiału z konkretnych NN zwłok często jest niemożliwe z uwagi na brak możliwości ich jednoznacznej identyfikacji. Innym problemem jest sytuacja, w której badanie DNA wskazuje, że w zbiorowym grobie pochowano zwłoki konkretnej NN osoby od której pobrano materiał biologiczny, ale niemożliwa jest ich ekshumacja, ponieważ poszczególne NN zwłoki nie były izolowane, doszło do przemieszania kości a zarząd cmentarza odmawia zgody na ekshumację, ponieważ w tym konkretnym przypadku wymagałoby to ponownego zbadania wszystkich kości NN osób pochowanych w tym konkretnym zbiorowym grobie, co z kolei powoduje ogromne koszty. W ten sposób odmawia się rodzinie osoby zaginionej pochowanej jako NN prawa do grobu w sytuacji, gdy posiada pozytywny wynik badania DNA oraz zgodę właściwego inspektora sanitarnego na przeprowadzenie ekshumacji. Aby zapobiec takim sytuacjom w przyszłości, w ocenie Fundacji niezbędne jest określenie w drodze rozporządzenia szczegółowego sposobu postępowania z NN zwłokami, chowania tych zwłok, opisywania i ich ewidencjonowania.

Wprowadzenie powyższych rozwiązań z całą pewnością przyczyni się do zwiększenia możliwości identyfikacji NN zwłok, również samo pobranie próbek materiału biologicznego w każdym przypadku ujawnienia NN zwłok i wprowadzenie ich do bazy DNA zwiększa prawdopodobieństwo skutecznego dokonania takiej identyfikacji. Nie można jednak zapominać, że ogromna większość cmentarzy, na których spoczywają NN osoby, nie zostanie objęta działaniem jakiegokolwiek programu mającego na celu identyfikację wszystkich NN zwłok. Bez odpowiednich nakładów finansowych, kwestia NN zwłok, od których nie pobrano materiału biologicznego w chwili ich ujawnienia, pozostanie nierozwiązana.	
Osiągnięte rezultaty zadania	100%
Mierzalne efekty	Powstanie raportu – 1 Wytyczne dot. pobierania śladów biologicznych do badań DNA - 1
Kamienie milowe[26]	Stworzenie procedur i rozbudowa bazy
Opis i uzasadnienie ewentualnych rozbieżności *Jeżeli w okresie realizacji fazy badawczej nastąpiły odstępstwa od ustaleń rzeczowych/czasowych zawartych w umowie w ramach zadania, należy wskazać, jakie są to odstępstwa, podać przyczyny rozbieżności, wymienić podjęte lub planowane działania naprawcze.*	
Brak rozbieżności	

F. OPIS WDROŻENIA WYNIKÓW PROJEKTU W DZIAŁALNOŚCI GOSPODARCZEJ LUB SPOŁECZNEJ

Nie więcej niż 3 strony formatu A4

Opis sposobu zastosowania wyników projektu w działalności gospodarczej lub społecznej ze szczególnym uwzględnieniem:

1. aktualizacji planu wdrożenia umieszczonego w raporcie z fazy badawczej projektu

W chwili obecnej trwa aktualizowanie bazy danych. Jednostki Policji zwracają się do Itaki o dostęp do bazy danych. Przeprowadzimy jeszcze jedno szkolenie szkolenie pracowników i wolontariuszy. Zostanie wyznaczona osoba odpowiedzialna za aktualizację bazy i kontakty z Policją.
W razie potrzeby narzędzie będzie modernizowane.

2. spodziewanego terminu wdrożenia wyników projektu i osiągnięcia założonych rezultatów

Przez cały okres trwania projektu prowadzona była faza badawcza która obejmowała oględziny materiału biologicznego NN zwłok ze spraw archiwalnych, prowadzenie badań genetycznych i analizę uzyskiwanych danych. Oznaczane w ramach projektu GeNN profile DNA NN zwłok były sukcesywnie wprowadzane do Bazy Danych DNA i przeszukiwane w celu odnalezienia dopasowań typu Rodzina – NN zwłoki. W związku z tym wyniki projektu były na bieżąco wdrażane w celu osiągnięcia założonego celu – identyfikacji i rozwiązania starych spraw poszukiwawczo – identyfikacyjnych. Ponadto, wprowadzone do Bazy profile DNA NN zwłok ze spraw archiwalnych będą cyklicznie przeszukiwane również po zakończeniu projektu, co daje możliwość dalszych dopasowani.

3. sposobu finansowania wdrożenia po zakończeniu realizacji projektu

W fundacji Itaka projekt będzie finansowany:
- ze środków własnych (kampanie 1%, wpłaty osób prywatnych)
- z dotacji Ministerstwa Spraw Wewnętrznych
- z dotacji Orange.Polska.SA

W CLKP będą prowadzone porównania w ramach stałej działalności ze środków własnych.

[26] *uzupełnić, jeśli we wniosku były zdefiniowane kamienie milowe – w innym przypadku wpisać „nie dotyczy”*

G. WSKAŹNIKI PRODUKTU, REZULTATU[27]

Lp.	Nazwa wskaźnika		Jednostka miary wskaźnika	Wartość bazowa (stan na dzień przed rozpoczęciem realizacji projektu)	Wartość docelowa wskaźnika [28]	Wartość wskaźnika osiągnięta w okresie sprawozdawczym	Wartość wskaźnika osiągnięta od początku realizacji projektu	Stopień realizacji wskaźnika (%)
1	*2*		*3*	*4*	*5*	*6*	*7*	*8=(7/5)*100*
Wskaźniki produktu								
1.	Liczba podmiotów biorących udział w realizacji projektu, w tym		szt.	*0*	*3*	*3*	*3*	*100%*
	sektor publiczny	jednostki naukowe	szt.	*0*	*1*	*1*	*1*	
		JST[29]/administracja	szt.	*0*	*0*	*0*	*0*	
	sektor prywatny	jednostki naukowe	szt.	*0*	*0*	*0*	*0*	
		przedsiębiorstwa	szt.	*0*	*1*	*1*	*1*	
	sektor pozarządowy		szt.	*0*	*1*	*1*	*1*	
2.	Liczba opracowanych innowacyjnych rozwiązań[30] związanych z rozwiązaniem złożonych problemów społecznych, w tym		szt.					
	rozwiązania techniczne		szt.	*0*	*1*	*1*	*1*	
	usługi		szt.	*0*	*0*	*0*	*0*	
	procedury		szt.	*0*	*1*	*1*	*1*	
	inne		szt.	*0*	*2*	*2*	*2*	
3.	Liczba osób objętych badaniami i działaniami prowadzącymi do wdrożenia w ramach projektu, w tym		os.	*0*	*300*	*300*	*300*	*100%*
	liczba osób zagrożonych wykluczeniem społecznym, w tym	osoby niepełnosprawne	os.	*0*				
		osoby pow. 50 r.ż.	os.	*0*				
		inne? Jakie ?…… (proszę podać powód wykluczenia)	os.	*0*				
	inna grupa społeczna (proszę wpisać jaka) **Rodziny osób zaginionych**		os.	*0*	*300*	*300*	*300*	*100%*
4.	Liczba podmiotów objętych badaniami i działaniami prowadzącymi do wdrożenia[31]		szt.	*0*	*1*	*1*	*1*	
5.	Liczba upowszechnień[32] wyników projektu, w tym:		szt.	*0*	*54*	*54*	*54*	*100%*
	publikacje w czasopismach recenzowanych		szt.	*0*	*0*	*0*	*0*	
	wystąpienia konferencyjne i seminaryjne		szt.	*0*	*16*	*16*	*16*	
	raporty i publikacje		szt.	*0*	*1*	*1*	*1*	
	inne		szt.	*0*	*37*	*37*	*37*	
Wskaźniki rezultatu								
1.	Liczba gotowych do wdrożenia innowacyjnych rozwiązań związanych z		szt.	0	1	1	1	

[27] ***Dodatkowo należy wypełnić tabelę dot. wskaźników w pliku pdf***
[28] *należy wpisać wartość wskaźnika planowaną do osiągniecia na zakończenie realizacji projektu.*
[29] *jednostki samorządu terytorialnego*
[30] *dotyczy rozwiązań opracowanych w ramach fazy badawczej*
[31] *przez podmiot należy rozumieć jednostkę w której w przyszłości może być wdrożone rozwiązane będące rezultatem projektu*
[32] *należy wpisać te raporty, publikacje i opracowania, które zostały **upowszechnione**, zgodnie częścią H raportu*

G. WSKAŹNIKI PRODUKTU, REZULTATU[27]							
Lp.	**Nazwa wskaźnika**	**Jednostka miary wskaźnika**	**Wartość bazowa (stan na dzień przed rozpoczęciem realizacji projektu)**	**Wartość docelowa wskaźnika [28]**	**Wartość wskaźnika osiągnięta w okresie sprawozdawczym**	**Wartość wskaźnika osiągnięta od początku realizacji projektu**	**Stopień realizacji wskaźnika (%)**
1	*2*	*3*	*4*	*5*	*6*	*7*	*8=(7/5)*100*
	rozwiązaniem złożonych problemów społecznych, w tym						
	rozwiązań technicznych	szt.	0	1	1	1	
	usług	szt.	0	0	0	0	
	procedur	szt.	0	1	1	1	
	innych	szt.	0	2	2	2	
2.	Liczba podjętych i przetestowanych inicjatyw międzysektorowych[33] na poziomie	szt.	Nie planowano				
	lokalnym	szt.					
	regionalnym	szt.					
	krajowym	szt.					
4.	Liczba nowych miejsc pracy[34] utworzonych w czasie trwania projektu w jednostkach wchodzących w skład konsorcjum	szt.	Nie planowano				

H. SPOSOBY UPOWSZECHNIANIA WYNIKÓW PROJEKTU, PROMOCJA

1) publikacje w czasopismach recenzowanych

(nazwisko i imię autora, tytuł, "tytuł czasopisma", rok wydania, numer czasopisma, numery stron)

2) wystąpienia konferencyjne i seminaria

(nazwisko i imię autora, tytuł wystąpienia, nazwa konferencji, miejsce konferencji, referat/plakat)

1. Alicja Tomaszewska, Magdalena Dębska, Piotr Gajewski – prezentacja projektu GeNN – V Ekspercka Konferencja „Poszukiwanie osób zaginionych", Warszawa, Biuro RPO, 22-23 listopada 2015
2. Magdalena Dębska - Prezentacja wyników badań pt. "Praktyczne wykorzystanie NGS w zakładzie Biologii CLKP" - wykład na seminarium naukowym CLKP 19.10.2016 w Warszawie
3. Magdalena Dębska - Prezentacja pt. „Praktyczne zastosowanie technologii sekwencjonowania nowej generacji w Zakładzie Biologii CLKP" – wykład podczas II Ogólnopolskiej Konferencji Biologii Kryminalistycznej „Genetyczny portret sprawcy przestępstwa" , Jachranka 23 – 24 listopada 2016r
4. Magdalena Dębska - Prezentacja pt. „Zastosowanie nowoczesnych technologii badań genetycznych - sekwencjonowania następnej generacji w identyfikacji NN zwłok" – wykład

[33] *przez inicjatywę międzysektorową należy rozumieć, nawiązanie współpracy pomiędzy sektorami: państwowym, prywatnym i pozarządowym, dzięki której wypracowano rozwiązanie będące przedmiotem projektu*
[34] *należy wliczyć wszystkie formy zatrudnienia (etat, umowy cywilno-prawne, umowy o dzieło)*

podczas VI Ogólnopolskiej Konferencji Eksperckiej Fundacji ITAKA – Centrum Poszukiwań Ludzi Zaginionych pt. „Wykorzystanie nowych technologii w działaniach poszukiwawczych", Warszawa 29-30 listopada 2016

5. Magdalena Jabłońska, Magdalena Spólnicka "Genetyczna identyfikacja zwłok o nieustalonej tożsamości", V Ogólnopolska Konferencja Ekspercka Fundacji ITAKA - Centrum Poszukiwań Ludzi Zaginionych pt. "Poszukiwanie osób zaginionych", Sala konferencyjna Biura Rzecznika Praw Obywatelskich Warszawa 26.11.2015, referat wygłosiła Magdalena Jabłońska
6. Michał Boroń, Magdalena Jabłońska, Magdalena Spólnicka „Praktyczne wykorzystanie NGS w Zakładzie Biologii CLKP", Seminarium Naukowe CLKP, Warszawa 19.10.2016, referat wygłosił Michał Boroń
7. Michał Boroń „Praktyczne zastosowanie technologii sekwencjonowania nowej generacji w Zakładzie Biologii CLKP", II Ogólnopolska Konferencja Biologii Kryminalistycznej pt. „Genetyczny portret sprawcy przestępstwa", Jachranka 23 – 24.11.2016, referat wygłosił Michał Boroń
8. Magdalena Jabłońska, Magdalena Spólnicka, Michał Boroń „Zastosowanie nowoczesnych technologii badań genetycznych - sekwencjonowania następnej generacji w identyfikacji NN zwłok" VI Ogólnopolska Konferencja Ekspercka Fundacji ITAKA „Poszukiwanie osób zaginionych – wykorzystanie nowych technologii w działaniach poszukiwawczych dzieci i osób dorosłych" Warszawa 29-30.11.2016, referat wygłosiła Magdalena Jabłońska
9. Michał Boroń „Możliwości identyfikacyjne regionów flankujących STR", I Ogólnopolskie Sympozjum Genetyczne „Identyfikacje osobnicze w aspekcie katastrof masowych i ofiar zbrodni systemów totalitarnych", Luborada 3 – 5.03.2017, referat wygłosił Michał Boroń
10. Magdalena Jabłońska, Michał Boroń, Agnieszka Pięta, Anna Woźniak, Magdalena Spólnicka „Application of massive paralel sequencing (MPS) in old missing persons cases", 10 Międzynarodowa Konferencja Stowarzyszenia ISABS, Dubrownik 19 – 23.06.2017, plakat
11. Magdalena Jabłońska, Magdalena Spólnicka, Michał Boroń, Katarzyna Gajewska, Jakub Mondzelewski „Ustalanie tożsamości zaginionych sprzed lat" Seminarium CLKP, Warszawa 14.12.2017, referat wygłosiła Magdalena Jabłońska
12. Michał Boroń, Magdalena Jabłońska, Magdalena Spólnicka, Katarzyna Gajewska „Wykorzystanie technologii nowej generacji podczas identyfikacji NN zwłok w projekcie GeNN", Seminarium CLKP, Warszawa 14.12.2017, referat wygłosił Michał Boroń
13. Joanna Stojer-Polańska, Państwowa Wyższa Szkoła Zawodowa w Raciborzu - Zaginięcia kryminalne – problemy związane z analizą śladów po latach – Konferencja w Krakowie w dn.20.09.2017
14. Magdalena Spólnicka, Centralne Laboratorium Kryminalistyczne Policji - Innowacje w genetyce sądowej wspierające wymiar sprawiedliwości – Konferencja w Krakowie w dn. 21.09.2017

15. I Konferencja "WSPÓŁPRACA I WYMIANA INFORMACJI W ZAKRESIE OSÓB ZAGINIONYCH - NOWE TECHNOLOGIE" 23-24 maja 2017 „Nowa platforma identyfikacji NN zwłok i technologie wykorzystywane przez Fundację ITAKA w poszukiwaniu osób zaginionych" Agata NOWACKA, Szef Zespołu Poszukiwań i Identyfikacji Fundacji ITAKA

16. VII Ogólnopolska Konferencja Ekspercka Fundacji ITAKA – Centrum Poszukiwań Ludzi Zaginionych
    Wystąpienie: **Nowa platforma identyfikacji NN zwłok Fundacji ITAKA -** Aleksander Zabłocki

3) raporty i publikacje

(nazwisko i imię autora, tytuł, "tytuł czasopisma", rok wydania, numer czasopisma, numery stron)

Rzeczpospolita - artykuł w wydaniu drukowanym, w poniedziałek 11.01.2016
2online: http://www.rp.pl/Spoleczenstwo/301109910-Poszukiwani-odzyskaja-tozsamosc.html

4) inne (nie wymienione powyżej np. materiały promocyjne, informacyjne, szkoleniowe, edukacyjne)

1) Udzielenie wywiadów dla Polskiego Radia 24 oraz IAR dotyczących projektu „GeNN" 13.01.2016,
2) Udzielenie wywiadu dla Telewizji TVP 3 w ramach programu „Ktokolwiek widział, ktokolwiek wie" w dniu 23.02.2016
3) Udzielenie wywiadu o badaniach wykonywanych w projekcie „GeNN" dla Telewizji TVN w ramach programu „Dzień Dobry TVN" w dniu 30.03.2016,
4) Udzielenie wywiadu dla Telewizji TVP 1 w ramach programu „Ktokolwiek widział, ktokolwiek wie" w dniu 23.12.2016

media internetowe

5) http://www.kampaniespoleczne.pl/aktualnosci,8270,genn_pomoze_odnalezc_zaginionych

6) http://www.pap.pl/palio/html.run?_Instance=cms_www.pap.pl&_PageID=1&s=infopakiet&dz=nauka&idNewsComp&filename&idnews=186125&data&status=biezace&_CheckSum=-1594975021

7) http://wyborcza.pl/1,91446,19014135,ruszyl-projekt-genn-ma-pomoc-w-wyjasnieniu-spraw-osob-dlugotrwale.html

8) https://www.facebook.com/FundacjaItaka/posts/810002049062896

9) http://www.wykop.pl/wpis/14694459/ruszyl-projekt-genn-liczba-osob-dlugotrwale-zagini/

10) http://www.wiescigor.pl/2-bez-kategorii/1213-projekt-genn-fundacja-itaka-wraz-z-policja-zajmie-sie-archiwalnymi-sprawami-osob-zaginionych-i-nn
http://www.radiopik.pl/3,36778,ruszyl-projekt-genn-ma-pomoc-w-wyjasnieniu-spraw&s=2&si=2&sp=2

11) http://www.deon.pl/wiadomosci/polska/art,25605,genn-wyjasni-sprawy-osob-dawno-zaginionych-i-nn.html

12) http://dziendobry.bialystok.pl/tag/material-biologiczny/

13) http://faktyimity.pl/index.php?option=com_k2&view=item&id=3845:ruszyl-projekt-genn-ma-pomoc-w-wyjasnieniu-spraw-osob-dlugotrwale-zaginionych

14) https://www.nasztomaszow.pl/na-sygnale/policja-wroci-do-starych-sledztw/

15) http://l24.lt/pl/polska/item/94283-ruszyl-projekt-ktory-ma-pomoc-w-wyjasnieniu-spraw-osob-dlugotrwale-zaginionych

16) http://dziendobry.bialystok.pl/rozpoczal-sie-projekt-genn-fundacja-itaka-wraz-z-policja-zajmie-sie-archiwalnymi-sprawami-osob-zaginionych-i-nn/
17) http://www.tvn24.pl/wiadomosci-z-kraju,3/akcja-genn-ilu-zaginionych-w-grobach-nn,609426.html

18) http://www.rp.pl/Spoleczenstwo/301109910-Poszukiwani-odzyskaja-tozsamosc.html

19) http://www.kampaniespoleczne.pl/aktualnosci,8477,poszukaja_zaginionych_po_genach
20) https://www.facebook.com/permalink.php?story_fbid=932400723517479&id=396009887156568

21) http://www.e-reporter.pl/index.php/item/2154-reporter-popiera-projekt-genn
22) http://www.mpolska24.pl/wiadomosc/ramka/2035019/poszukiwani-odzyskaja-tozsamosc

23) http://radio.opole.pl/104,138225,akcja-genn-otworza-akta-a-potem-trumny

24) https://www.edkf.pl/informacje,506828,akcja-_genn_-otworza-akta-a-potem-trumny

25) http://www.wiz.pl/8,1804.html

26) GW-Białystok: http://bialystok.wyborcza.pl/bialystok/1,84879,19091061,pochowani-nn-i-zaginieni-moga-odzyskac-tozsamosc-projekt-genn.html
27) Polskie Radio http://www.polskieradio.pl/78/1227/Artykul/1549975,Projekt-GeNN-pomoze-ustalic-tozsamosc-zmarlych-niezidentyfikowanych
28) Polskie Radio Trójka 27.11.15, g. 19:03:32
29) Polskie Radio Trójka 28.11.15, g. 08:01:58
30) Polskie Radio Merkury Poznań 27.11.15, g. 14:03:45
31) Polskie Radio Wrocław 27.11.15, g. 15:01:51
32) Polskie Radio Rzeszów 27.11.15, g. 15:04:42
33) http://platforma10.instytut.com.pl/przegladarka_radia.php?kw=02db270d0b1bacd502db27000073c04c

34) Materiał TVN24 został opublikowany na kanale Twitter stacji - link: https://twitter.com/tvn24 -

35) Radio Centrum Lublin - w załączeniu plik z nagrania, które było wyemitowane 11.01. oraz było kilkakrotnie powtarzane również w kolejnych dniach w tym tygodniu, skrócona wersja online informacji: http://centrum.fm/rodziny-zaginionych-moga-poznac-losy-swoich-bliskich-fundacja-itaka-prowadzi-projekt-genn/

36) Fakt24 na temat Projektu GeNN - http://www.fakt.pl/polska/3700-osob-w-polsce-pogrzebano-bez-tozsamosci,artykuly,627558.html

37) http://www.msn.com/pl-pl/wiadomosci/polska/grzebi%C4%85-cia%C5%82a-w-workach-bez-imienia-nazwiska-daty-urodzenia/ar-BBs3iFV

5) inne (nie wymienione powyżej np. materiały promocyjne, informacyjne, szkoleniowe, edukacyjne)

Pracownicy CLKP przeprowadzili szkolenie w dniu 10.05.2016 r *z zakresu badań genetycznych oraz wykorzystania Bazy Danych DNA w ramach projektu GeNN dla pracowników fundacji ITAKA – Centrum Poszukiwań Ludzi Zaginionych*

I. INFORMACJA O KONTROLACH PRZEPROWADZONYCH W MIEJSCU REALIZACJI PROJEKTU I SPOSOBACH WDROŻENIA ZALECEŃ POKONTROLNYCH					
Lp.	**Rodzaj kontroli**	**Podmiot kontrolujący**	**Data kontroli**	**Zalecenia pokontrolne**	**Czy zastosowano się do zaleceń pokontrolnych?**
1.					
…					

Oświadczam, że informacje zawarte w niniejszym raporcie są zgodne ze stanem faktycznym. Jestem świadomy/a odpowiedzialności karnej wynikającej z art. 271 Kodeksu karnego, dotyczącej poświadczania nieprawdy co do okoliczności mającej znaczenie prawne.

Osoba odpowiedzialna za sporządzenie raportu okresowego	**Imię i nazwisko:**	Alicja Tomaszewska
	Telefon:	501366801
	e-mail:	alicja.tomaszewska@zaginieni.pl
	podpis:	

Pieczęć firmowa Wykonawcy/Lidera	**Podpis i pieczęć osoby upoważnionej do reprezentowania Wykonawcy/Lidera**	**Podpis Kierownika projektu**